

РЕЗУЛЬТАТЫ СКБ «ЦИСТРОН» (2016)

Работы на английском языке:

1. *Orehov T. C., Gradov O. V.* Hybridization of COBAC, QSPR / QSAR and SBGN technologies: The unity of theory and practice for biomedical technique design and biochemical diagnostic information analysis // *Journ. Med. Bioeng.* — 2016. — Vol. 5, no. 2. — P. 128-132.
2. *Gradov O. V.* Real time complexation of XNA thermocycling and differential scanning calorimetry-on-a-chip as a novel tool for modeling and analysis of templated synthesis or self-assembly of the proto-genetic code // *Proc. RTAC-2016.* — Vol. 2. — SPbPU Publisher, 2016. — P. 392.
3. *Orehov F. C., Gradov O. V.* In situ/real time analysis in frame of COBAC, QSPR, QSAR and SBGN as a novel tool for the biosimilarity studies and physio-chemical prognostics in the biomedicine-assisted screening and experimental toxicology and allergology // *Journal of Bioanalysis & Biomedicine.* — 2015. — Vol. 7, no. 5. — P. 95.
4. *Orehov F. C., Gradov O. V.* On-line/real time compatibility of COBAC analysis, QSPR, QSAR and SBGN big data mining as a novel tool for physiochemical prognostics in the biomedicine-assisted screening and experimental toxicology and allergology // *Journal of data mining in genomics & proteomics.* — 2015. — Vol. 6, no. 4. — P. 64.
5. *Orehov F. K., Gradov O. V.* Spectral and fluorescent detection of the DNA / XNA cyclic code decoding on the selectively stained microscopic samples // «Life of Genomes» [International Seminar]. — Kazan, 2014. — P. 16.
6. *Krukowskikh V., Gradov O. V.* Praxeometric analysis of the selfish genetic machinery using w. gasparsi criteria for extended phenotypic expressivity // «Life of Genomes» [International Seminar]. — Kazan, 2014. — P. 15.
7. *Gradov O. V.* Importance, the adjoint function for selfish gene transfer and kinetic models of DNA sequencing by capillary electrophoresis // «Life of Genomes» [International Seminar]. — Kazan, 2014. — P. 14.
8. *Gradov O. V.* Qualimetric approach to molecular phylogenetics // *NGS-2014.* — 2014. — P. 6.

Работы на русском языке:

1. *Орехов Ф. К., Градов О. В., Линь В.* Координатно-сканирующая векторография и угловая сканирующая векторография как метод спектрозонального оценивания в декодирующей гибридизации в режиме реального времени // Сборник тезисов 4-й Всероссийской научно-практической конференции по геномному секвенированию (19 мая 2016 года). — ИБХ РАН, 2016. — С. 24.
2. *Градов О. В., Панкратов С. К.* Методы «радиоизотопной биоинформатики» для мультиспектрального секвенирования на активном чипе // Сборник тезисов 4-й Всероссийской научно-практической конференции по геномному секвенированию (19 мая 2016 года). — ИБХ РАН, 2016. — С. 22.
3. *Градов О., Скрынник А.* Методы сверхвысокоразрешающей безлинзовой микроскопии на чипе — новая техника для NGS // Сборник тезисов 4-й Всероссийской научно-практической конференции по геномному секвенированию (19 мая 2016 года). — ИБХ РАН, 2016. — С. 5
4. *Градов О. В.* Совмещение термоциклирования ксенонуклеиновых кислот в режиме реального времени с дифференциальной сканирующей калориметрией на чипе – новое средство моделирования и анализа процессов темплатного синтеза и самосборки генетического кода // Proc. International Conference on Thermal Analysis and Calorimetry [in Russ.]. — Т. 2. — SPbPU Publisher, 2016. — С. 392–396.
5. *Градов О. В.* Инструменты ядерной электрофизиологии в анализе фаз кинетики локальной упаковки хроматина // Хромосома 2015. — Новосибирск, 2015. — С. 80–81.
6. *Орехов Ф. К., Градов О. В.* Гибридизация COBAS, QSPR/QSAR и SBGN: единство теории и практики в анализе данных и проектировании спектрально-биохимического лабораторно — диагностического и биомедицинского оборудования // *Биотехносфера*. — 2014. — Т. 33, № 3. — С. 29–31.
7. *Градов О. В.* Непостоянство генома в молекулярных механизмах абиогенеза и происхождения кода // V Международная школа молодых ученых по молекулярной генетике «Непостоянство генома». — Маркетолог, 2012. — С. 22, док. 29.

Последние доклады на английском языке:

- **2016** Exergy/anergy ratio comparison for DNA amplification process and gene expression in biomass. Novel ways for molecular and ecological phylogenetics and novel criteria for semantide evolution level estimation (Устный)
- Автор: Gradov O.V.
- 7th International Conference and Expo on Proteomics [Theme: Proteomics: An atlas of expression], Rome, Италия, 24–26 октября 2016
- **2016** Exergy/anergy ratio comparison for DNA amplification process and gene expression in biomass (Устный)
- Автор: Gradov O.V.
- 7th International Conference on Bioinformatics, Rome, Италия, 24–25 октября 2016
- **2016** The Extended Phenotype of Chemolithoautotrophs as an Object of Physical Geochemistry and Structural Biogeochemistry in the Framework of V.I. Vernadsky Concepts(Стендовый)
- Автор: Gradov O.V.
- International School of Earth Sciences–2016, Vernadsky Geochemistry Institute, Россия, 23–28 мая 2016
- **2015** On–line/real time compatibility of COBAC analysis, QSPR, QSAR and SBGN big data mining as a novel tool for physiochemical prognostics in the biomedicine–assisted screening and experimental toxicology and allergology (Стендовый)
- Авторы: Orehov F.C., Gradov O.V.
- 2nd International Conference on Big Data Analysis and Data Mining, San Antonio, USA, США, 30 ноября — 1 декабря 2015
- **2015** In situ / real time analysis in frame of COBAC, QSPR, QSAR and SBGN as a novel tool for the biosimilarity studies, physiochemical prognostics in the biomedicine–assisted screening and experimental toxicology and allergology (Стендовый)

- Автор: Gradov O.V.
- 4th International Conference and Exhibition on Biologics and Biosimilars, Baltimore, США, 26–28 октября 2015

Последние доклады на русском языке:

- **2016** Исследование темплатирующего эффекта минеральных подложек в абиогенном синтезе и процессах абиогенеза с использованием лабораторий на чипе с активной поверхностью (Стендовый)
- Авторы: Градов О.В., Градова М.А.
- 2-я Всероссийская конференция по астробиологии: «Жизнь во Вселенной: физические, химические и биологические аспекты», Пущино, Россия, 5–9 июня 2016
- **2016** Совмещение термоциклирования ксенонуклеиновых кислот в режиме реального времени с дифференциальной сканирующей калориметрией на чипе – новое средство моделирования и анализа процессов темплатного синтеза и самосборки генетического кода (Стендовый)
- Автор: Градов О.В.
- Конференция по термическому анализу и калориметрии (RTAC-2016), Санкт-Петербург, Россия, 19–23 сентября 2016
- **2015** Персистентные и симбиотические теории абиогенеза и ранней эволюции протобионтов / прокариот: мультиагентный компартментализационно-фазовый симбиогенез и «персистентная панспермия» (Стендовый)
- Автор: Градов О.В.
- Восьмая Российская научная конференция с международным участием «Персистенция и симбиоз микроорганизмов», г. Оренбург, Россия, 22–24 сентября 2015